

Ringversuch: **GIST 2017**
im Monat: **Oktober 2017**
Teilnehmer-Nr.: **P000110**
ausgestellt: **2017**



Institut für Pathologie und Zytologie
Herr Dr. med. Werner Mohren
und Kollegen
Perlasberger Str. 41
94469 Deggendorf

Ringversuchsleiter
PD Dr. Sabine Merkelbach-Bruse
Prof. Dr. W. Dietmaier
Prof. Dr. F. Haller
Dr. R. Penzel

Bonn, den 20.11.17

Zertifikat

Wir bestätigen Ihnen, dass Sie am Ringversuch für
Mutationsanalyse bei Gastrointestinalen Stromatumoren (PCR)
mit Erfolg teilgenommen haben.

GIST Mutationsanalyse

Prof. Dr. med. M. Dietel
für die QuIP

Dr. med. W.J. Geilenkeuser
für das RfB



Veranstalter: Qualitätssicherungs-Initiative Pathologie QuIP GmbH, Robert-Koch-Platz 9, 10115 Berlin, Tel. 030 / 25760 727, Mail: office@quip.eu



in Kooperation mit dem
Referenzinstitut für Bioanalytik - Friesdorfer Str. 153 - D-53175 Bonn
Tel. 0228 / 926895 - 0 - Fax 0228 / 926895-29 - Web: www.dgkl-rfb.de - E-Mail: info@dgkl-rfb.de

GIST Mutationsanalyse (NAT) 2017 - Auswertung

- Ihre Ergebnisse sind mit Punkten gekennzeichnet -
(grün-richtig, gelb-bedingt richtig, rot-fragwürdig)

GIST Mutationsanalyse

[Erfolgsquote 12/15 => 80,0 %]

Fall 1

<i>Mutation</i>	
WT	0
mutiert	1
nicht auswertbar 9	

Exon 9

Res.	N
	1
+	14
	0
	0
	0
	0
	0
	0
	0

Exon 11

Res.	N
+	15
	0
	0
	0
	0
	0
	0
	0
	0

Exon 18

Res.	N
+	15
	0
	0
	0
	0
	0
	0
	0
	0

Mutationen:

- p.A502_Y503dup 14
- c.1504_1509dup 13
- c.1503_1508dupTGCCTA 1

Fall 2

<i>Mutation</i>	
WT	0
mutiert	1
nicht auswertbar 9	

Exon 9

Res.	N
+	15
	0
	0
	0
	0
	0
	0
	0
	0

Exon 11

Res.	N
	0
+	15
	0
	0
	0
	0
	0
	0
	0

Exon 18

Res.	N
+	15
	0
	0
	0
	0
	0
	0
	0
	0

Mutationen:

- c.1670_1675del 14
- p.W557_V559delinsF 13
- c.1669_1674del 1
- p.Trp557_Lys558delinsArgAsn 1
- p.W557_559F 1

Fall 3

<i>Mutation</i>	
WT	0
mutiert	1
nicht auswertbar 9	

Exon 9

Res.	N
+	15
	0
	0
	0
	0
	0
	0
	0
	0

Exon 11

Res.	N
	1
+	14
	0
	0
	0
	0
	0
	0
	0

Exon 18

Res.	N
+	14
	1
	0
	0
	0
	0
	0
	0
	0

Mutationen:

- c.1679T>A 14
- p.V560D 14

4 von 4

4 von 4

4 von 4

GIST Mutationsanalyse (NAT) 2017 - Auswertung

- Ihre Ergebnisse sind mit Punkten gekennzeichnet -
(grün-richtig, gelb-bedingt richtig, rot-fragwürdig)

Fall 4

Mutation	
WT	0
mutiert	1
nicht auswertbar	9

Exon 9		
Res.		N
+	15	15
	0	0
		0

Exon 11		
Res.		N
+	15	15
	0	0
		0

Exon 18		
Res.		N
	0	0
+	15	15
		0

Mutationen:

- c.2525A>T 15
- p.D842V 15

Fall 5

Mutation	
WT	0
mutiert	1
nicht auswertbar	9

Exon 9		
Res.		N
+	15	15
	0	0
		0

Exon 11		
Res.		N
	0	0
+	15	15
		0

Exon 18		
Res.		N
+	15	15
	0	0
		0

Mutationen:

- p.W557_K558del 14
- c.1669_1674del 13
- c.1667_1672del 1
- c.1667_1672delAGTGGA 1
- p.W557_K558 1

Fall 6

Mutation	
WT	0
mutiert	1
nicht auswertbar	9

Exon 9		
Res.		N
+	15	15
	0	0
		0

Exon 11		
Res.		N
+	15	15
	0	0
		0

Exon 18		
Res.		N
	0	0
+	15	15
		0

Mutationen:

- c.2528_2539del 15
- p.I843_S847delinsT 14
- p.I843_S847>T 1

Fall 7

Mutation	
WT	0
mutiert	1
nicht auswertbar	9

Exon 9		
Res.		N
+	15	15
	0	0
		0

Exon 11		
Res.		N
	2	2
+	13	13
		0

Exon 18		
Res.		N
+	14	14
	1	1
		0

Mutationen:

- c.1669_1672delinsG 12
- p.W557_K558del 12
- p.W557_K558>E 1
- c.1668_1669delGT und c.1672delA

4 von 4	4 von 4	4 von 4	4 von 4
GIST Mutationsanalyse -> 28 von 28 Punkten ✓			