

Ringversuch: **RAS 1/2014**

im Monat: **März 2014**

Teilnehmer-Nr.: **P000110**

ausgestellt: **2014**

Qualitätssicherungs-Initiative Pathologie



Ringversuche Immunhistochemie  
und Molekularpathologie

Institut für Pathologie und Zytologie  
Herrn Dr. med. Werner Mohren  
und Kollegen  
Perlasberger Str. 41  
94469 Deggendorf

Ringversuchsleiter

Prof. Dr. T. Kirchner  
Prof. Dr. A. Jung

Bonn, den 07.04.14

## Zertifikat

Wir bestätigen Ihnen, dass Sie am Ringversuch für

### **RAS - Mutationsanalyse**

mit Erfolg teilgenommen haben.

Die von Ihnen korrekt charakterisierten Parameter sind nachstehend aufgeführt:

### **RAS Mutationen Exon 2,3,4**

**Prof. Dr. med. Hans H. Kreipe**  
Deutsche Gesellschaft für Pathologie e. V.

**Prof. Dr. med. Ferdinand Hofstädter**  
Bundesverband Deutscher Pathologen e. V.



Deutsche Gesellschaft für Pathologie e. V., Berlin, Tel: 030 / 25760727, Mail: [geschaeftsstelle@dgp-berlin.de](mailto:geschaeftsstelle@dgp-berlin.de)  
Bundesverband Deutscher Pathologen e. V., Berlin, Tel: 030 / 3088197-0, Mail: [bv@pathologie.de](mailto:bv@pathologie.de)



# RAS Mutationsanalyse (NAT) 1/2014 - Auswertung

- Ihre Ergebnisse sind mit farbigen Punkten gekennzeichnet -  
(grün-richtig, gelb-bedingt richtig, rot-falsch, grau-unbewertet)

## RAS Mutationen Exon 2,3,4

[Erfolgsquote 59/66 => 89,3 %]

P 1

P 2

P 3

P 4

P 5

### Mutationsanalyse KRAS

WT 0  
mutiert 1  
nicht auswertbar 9

Bew.	N	Bew.	N	Bew.	N	Bew.	N	Bew.	N
	2		65		2		65		65
	62		0		64		1		1
	2		1		0		0		0

### Mutationsanalyse NRAS

WT 0  
mutiert 1  
nicht auswertbar 9

Bew.	N	Bew.	N	Bew.	N	Bew.	N	Bew.	N
	66		65		66		65		64
	0		1		0		0		1
	0		0		0		1		1

### Mutationsliste

c.35G>A(K)	31	p.A146P(N)	1	c.183A>T(K)	51	c.34G>A(K)	1	c.35G>T(K)	1
c.35G>T(K)	12			Codon 61(K)	1			c.138G>A(N)	1
p.G12D(K)	5								
c.37G>T(K)	1								
p.(Gly12Asp)(K)	1								
Codon 12/13(K)	1								

P 6

P 7

P 8

P 9

P 10

### Mutationsanalyse KRAS

WT 0  
mutiert 1  
nicht auswertbar 9

Bew.	N	Bew.	N	Bew.	N	Bew.	N	Bew.	N
	66		2		63		0		66
	0		61		0		66		0
	0		3		3		0		0

### Mutationsanalyse NRAS

WT 0  
mutiert 1  
nicht auswertbar 9

Bew.	N	Bew.	N	Bew.	N	Bew.	N	Bew.	N
	66		66		64		66		66
	0		0		0		0		0
	0		0		2		0		0

### Mutationsliste

c.35G>A(N)	47	c.34G>T(K)	32			c.35G>A(K)	46		
p.G12D(N)	5	c.35G>T(K)	7			p.G12D(K)	5		
p.(Gly12Asp)(N)	1	p.G12C(K)	2			c.35G>T(K)	1		
Codon 12/13(N)	1	*1(K)	1			p.(Gly12Asp)(K)	1		
		c.34-35delInsTT(K)	1			Codon 12/13(K)	1		
		34_35GG>TT(K)	1						
		c.35G>A(K)	1						
		c.34_35GG>TT(K)	1						
		Codon 12/13(K)	1						
		p.G12D(K)	1						

RAS Mutationen Exon 2,3,4

P 11

P 12

**Mutationsanalyse KRAS**  
WT 0  
mutiert 1  
nicht auswertbar 9

Bew.	N	Bew.	N
●	64		1
	0	●	65
	2		0

**Mutationsanalyse NRAS**  
WT 0  
mutiert 1  
nicht auswertbar 9

Bew.	N	Bew.	N
●	64	●	66
	0		0
	2		0

**Mutationsliste**

●	c.436G>A(K)	50
	c.436/437(K)	1
	Codon 146(K)	1

2 von 2      2 von 2      2 von 2      2 von 2      2 von 2  
2 von 2      2 von 2      2 von 2      2 von 2      2 von 2  
2 von 2      2 von 2